

1  
101 GTAACTATA ATG CCAAG TT TTA AAAAGT AGGGTG TAAC CGAAGCGGT TCAACCGAAA ACGGTGCGATA  
201 GCACACTAT GTTTCAGAC ACTGAGGAAA AACCCGGAAC ATTGCATCAT TTGTCGCAAG CATGTGAGAC  
301 GGAATG CAAA AAALCTT TGC AACCAT GTGA GGTATATCAT TTGCAIT TG CAGATTAAAC AGTTCATAT  
401 CTGTGTTGC GTTCTTATC TAAAT TACT GAATATAGAC ATTATAATTA TCTGTATAT GGAATATCAT  
501 AAATATTAAT TAGGTGTAT ATATGTCAA GACCTTGTG TCTCAAGAA AAAAAAGCAC ATGTGCAIT  
601 TTGGCAGGG CGCTGCGG CGTGTTGAG GTCCGAGGT AGACAACTG CACTGTAG TGTA AAAAGG  
701 AATATGTTT ACATTTATAT CTTGAACAA CTAATTAIA TGTGTAGG CAATTAAGG ACAGCTCAGA  
801 ACAAGCACAA CCAGCCACAG CTGATTACTA CATGTAAAC GTTGTACAA CTAATTAAC CAGAGTTCGT  
901 CGAATCATAC AGCACTACT TATGGGCA CA GTGAATATG TGTGCTTAC CTGTGCAAA CAGATACAT  
1001 ATGGGCTGG CATGGGTGT ACTGGTTGT TTGAGGTAGA AGCAGTCATA GACGAGAGAA CAGGAGATA  
1101 TGACAGTGGC ACGGATTAC TAGGTTTAT AGATGATTCT ATGCAAAATA GTATACAGGC AGACAAGAG  
1201 GGGGAGGATG ATTTAAATGC TGTGTGCA CTA AAACGAA AGTTGCCC ATGTTCAAA AGTGTGCGG  
1301 GTACACGTC TATTAATAAA AATAAGAAAT GCACATACAG AAACGAAA ATAGTAGGC TAGAAGACAG  
1401 GCAGATGTA CAACAGGTAG AAATCAAA TGGCCACACA AACTTAATG ACTTAGAATC TAGTGGGTG  
1501 AATGTAGATA GCTGTCAAAA GTTACGTTG CAGGAAATTA GTAACTTCT ACATAGTAGT AATACAAAAG  
1601 ATGCAATAAG TTTATGCAA TTAGTAAGAC CATTA AAAAG TGAATAACCA AGCTGTACAG ATTGTGTAT  
1701 AGCAAGTTTA AAAGTATTA TTAACACCA TACTTTGAT ACTCATTTAC AATGTTTAACT TTGCAATAGA  
1801 AAGTGTAGCA AAAAAAGT AAACATACCA AACTTAATTA GTAACTTCT ACATAGTAGT AATACAAAAG  
1901 AAACAATGCT ATGTTATGCT TTACACACAG CAATGTCAA CATTTAGCAT GTACAAAGGA CAACCTCA  
2001 TAGGTTAAT CATATATAT TTGATTAAG TCAATGCTA CACTGTGAT AGCATAAGCA GTTAAGGACT  
2101 CTTCAGAT CAATAGTAA TCTGCTGCA TTTTAAAA GTAACTTCT ACATAGTAGT AATACAAAAG  
2201 CAGAAAAGG TAAAACTCA ATAGGCAAT GTATACAAAG TACTGTCAA AAAAAATA TG AAGCAAAA  
2301 TCAAAATTT CAATTTAGG CATTTAGG TCAATTTAA AAGTTTAA AAGTTTAA AAGTTTAA AAGTTTAA  
2401 GCAAGTCAI ATTTGCAAG CAGTTTAA AAGTTTAA AAGTTTAA AAGTTTAA AAGTTTAA AAGTTTAA  
2501 ATGCAAAAAT AGCAATGATA GATGATGTA CCGCAATAAG TGGACATAT ATAGATCAT ATAGATCAT  
2601 TGTGAACAT AGGCAATAG TGCATTAATA TGCATTAATA TGCATTAATA TGCATTAATA TGCATTAATA  
2701 AGATTAACAG TATTTGAAI TAAAAATCA TCCCATTTG ATGAAATGG TAAACAGTG TAAACAGTG  
2801 GCACGTGCTG CAAATAGAT TTAATAGAG AACAGGACAA GCAAAACCAT GCAAGCAATA GCAAGCAATA  
2901 TTTAAGAGC TCAATAAACT CATTAACAT CACAAATGCA ACATTCGAAA CTGATGCA CACAACTCA  
3001 TCACTTTA TCCACCAAG TGGCCTTC TTTGTAGCA TCAAAACCA AACCAITTTCA AAGCAITTTCA  
3101 TCACAGTATA GTACAGCCA ATGACATG CAACACAA GCTTACAGGT GTGGCTTGT CAACCACTCA  
3201 CTGTGAAA TCAATATGAT AAAAAATA TAACTGTGAA AAGGTATAT TAAATAT TAAATAT  
3301 AGTACATTA ATAGGTATGT ATTATATA TAACTGTGAA AAGGTATAT TAAATAT TAAATAT  
3401 GAATACATG TGGTGTGCA GCTAACTGT GTATATCTAG CAACCAATA TCAACCAATA  
3501 ACCGATCAC ACAAGCAGG GTCAATGAT GACCACTGAC CACACTGAC CACACTGAC CACACTGAC  
3601 CAATAGACCA GCAGTACTG CACTACTG CACTACTG CACTACTG CACTACTG CACTACTG CACTACTG  
3701 AGTTTAAAT GTTAAGATA CAGATTAAA CTTATAAAG AGTTGTATAG TTCTATGCA TCCACTGCGC

FIG.1A



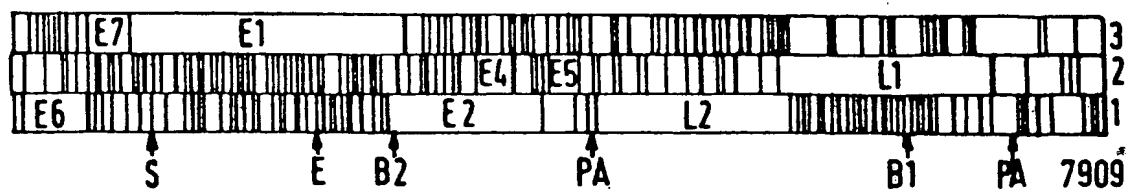


FIG.2

7500

-----Z----- 78-1

TAACCGTTTTCGGTTACTTGGCATAACCTATGACATTGGCAGAACAGTTAATCCTT

-----Z----- 78-2

TTCTTTCTGCACTGTGTTTGCTGTACTTGCTGCATTGGCATAACCTATGACATT

GGCAGAACAGTTAATCCTTTTCTTTCTGCACTGTGTTTGCTGTACTTGCTGCATTGAC

TCATAATACATGCAGTGCAATTGCAAAATACTTAATTGTACTAATAGTTACACAACCT

TTTAGGCACATATTTTACTTTACTTTCAAACCTAAGTGCAGTTTGGCTTACACAATT

GCTTTGTATGCCAAACTATGCCTTGTAAGAGTGAGTCACTACCTGTTATTACCAGGTGT

GGACTAACCGTTT TAGGTCATATTGGTCATTATAATCTTTATATAATAGTAACTATA

ATGCCAAGTTTAAAAAAGTAGGGTGTAACCGAAAGCGGTTCAACCGAAAACGGTGCA TA

TATAAAGCAAACATTTTGCAAGTAAGGTAAGTACTGCACGACTATGTTT

\*\*\*

E6.....MetPhe

FIG.3